

<https://doi.org/10.30895/2221-996X-2026-26-1-75-84-fig-s3>

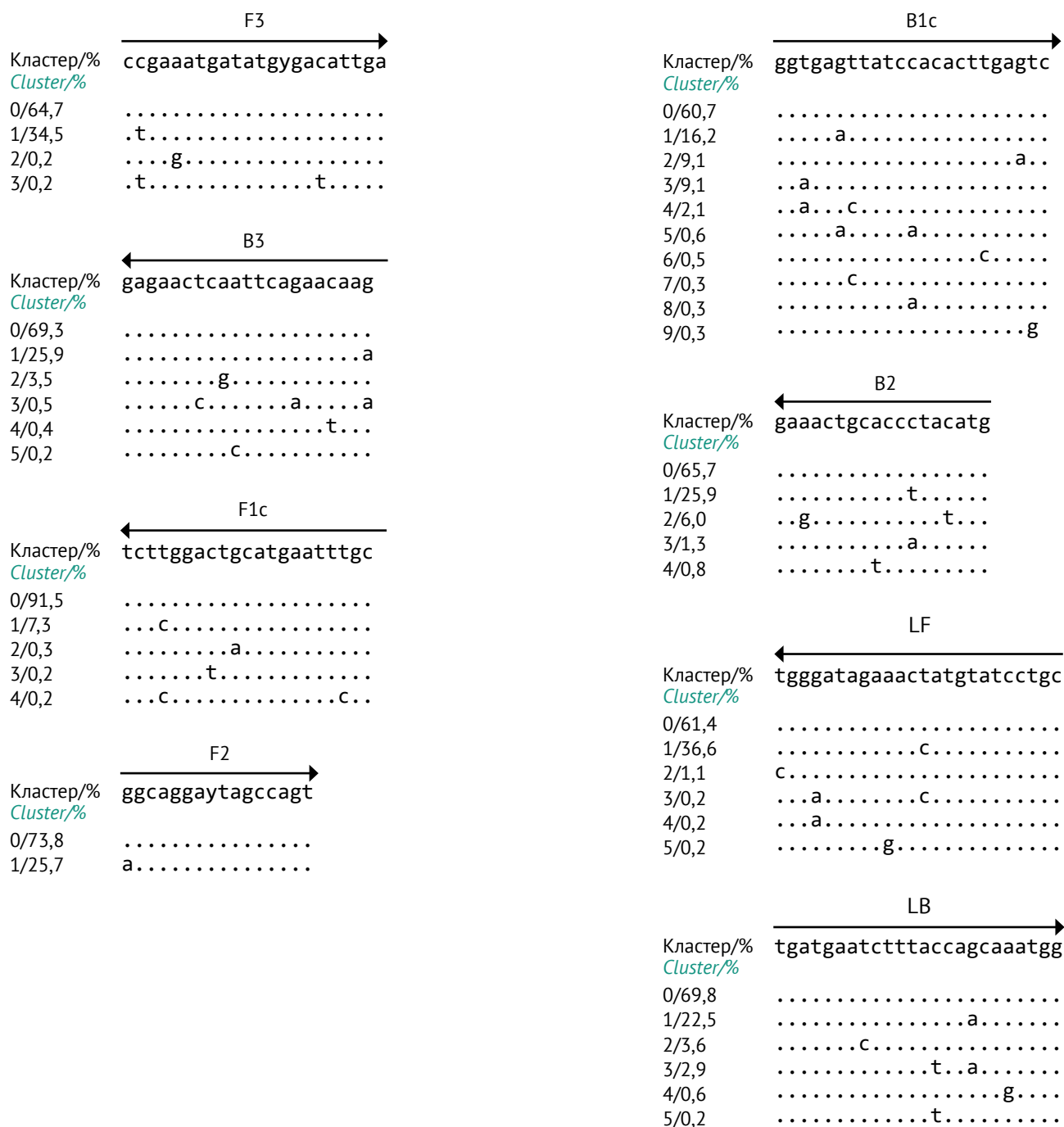


Рисунок подготовлен авторами / The figure was prepared by the authors

**Рис. S3.** Частота встречаемости штаммов вируса кори в базе данных NCBI с мутациями в области посадки праймеров, используемых в LAMP. Кластеры расположены по уменьшению числа последовательностей в кластере, через слэш указан процент от общего числа проанализированных последовательностей. Стрелками указано направление последовательности праймеров от 5'-конца к 3'-концу.

**Fig. S3.** Prevalence of measles strains in the NCBI database with mutations in primer binding sites used in LAMP. Clusters arranged in descending order of the number of sequences in a cluster; the percentage of the total number of analyzed sequences is shown with a slash. The arrows indicate the direction of the primers sequences from 5'-end to 3'-end.