

<https://doi.org/10.30895/2221-996X-2026-26-1-75-84-fig-s1>

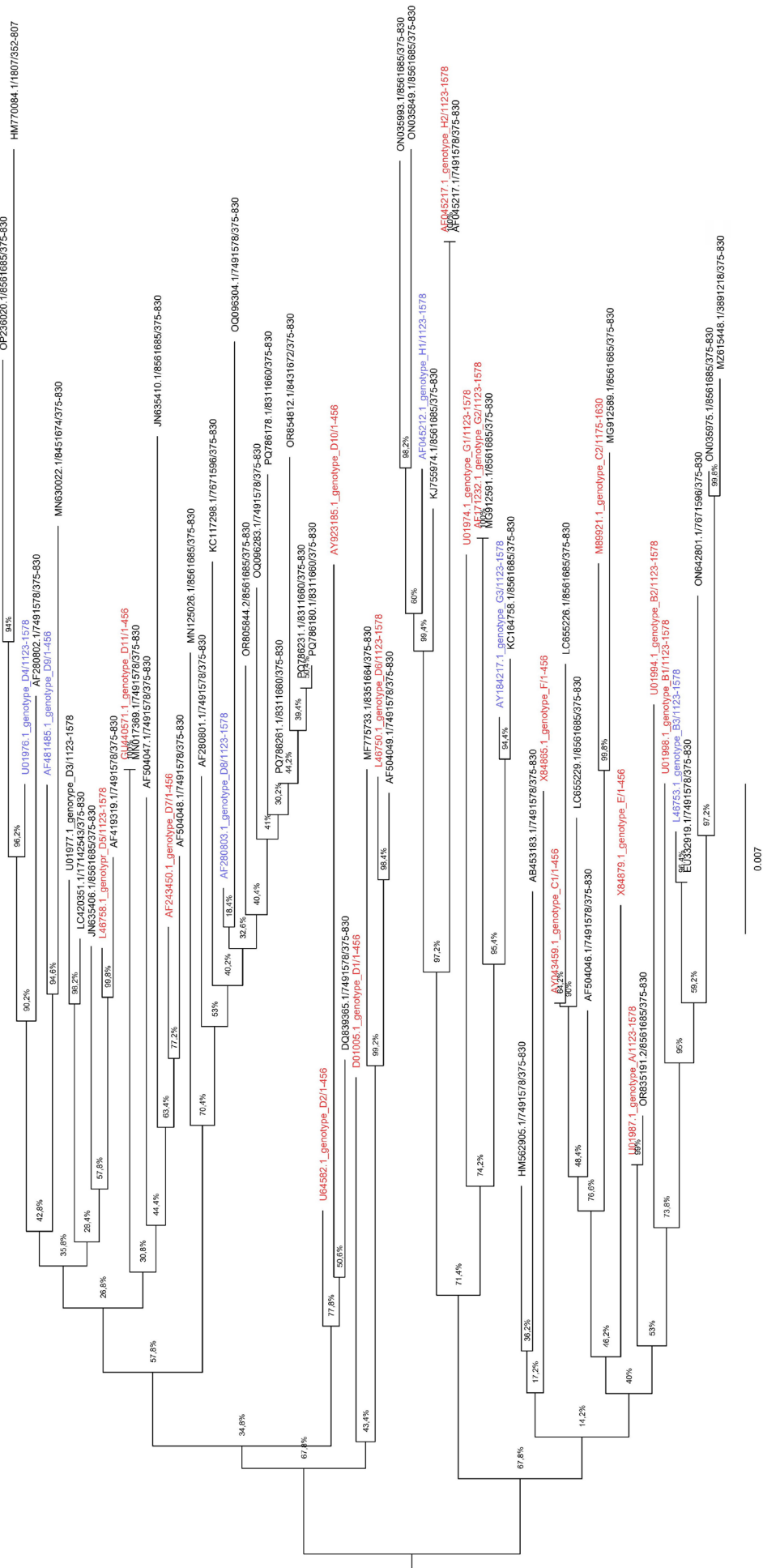


Рисунок подготовлен авторами / The figure was prepared by the authors

Рис. S1. Филогенетическое дерево нуклеотидных последовательностей вируса кори. Цветом обозначены референсные штаммы 24 известных генотипов, синим цветом – актуальные генотипы. **Fig. S1.** Phylogenetic tree of measles virus nucleotide sequences. Reference strains of the 24 known genotypes are highlighted in color; currently circulating genotypes are highlighted in blue.